

SISTEMA SANITARIO REGIONALE DEL PIEMONTE

AZIENDA OSPEDALIERO UNIVERSITARIA

SAN LUIGI GONZAGA DI ORBASSANO

Regione Gonzole n. 10 - 10043 ORBASSANO (TO)

Tel. 011/90.26.279- Fax 011/90.26.541

**Procedura di gara per l'affidamento di Sistema per
sequenziamento NGS per campioni FFPE
occorrente all'A.O.U. San Luigi Gonzaga di Orbassano**

INDAGINE DI MERCATO

Questa Azienda, stazione appaltante della procedura di gara di cui in oggetto, intende avviare una indagine conoscitiva al fine di acquisire conoscenze sulle aziende presenti sul mercato che possano offrire i sistemi con i seguenti requisiti:

“Sistema per l'esecuzione di sequenziamento NGS per piattaforma Ion Torrent”

Il sistema richiesto deve comprendere la fornitura di tutti i reagenti ed i materiali di consumo necessari ad effettuare:

- analisi di sequenza DNA di regioni di interesse per la presenza di varianti somatiche (delezioni, inserzioni, inversioni e sostituzioni) in geni correlati alla risposta farmacologica nel tumore di polmone, colon, melanoma: EGFR, ALK, ERBB2, MET, KRAS, PIK3CA, BRAF, NRAS.

Per una gestione dell'archivio dati conforme all'attuale disponibilità, gli altri eventuali geni analizzabili (correlati alle neoplasie prima indicate) non devono superare in totale il numero di 25.

- analisi di trascritti di fusione per identificare la presenza di riarrangiamenti che coinvolgono il gene ALK e i riarrangiamenti specifici per i geni ROS-1. Inoltre, qualora non venisse identificata una traslocazione specifica deve, tramite specifici ampliconi presenti nel pannello, dare l'indicazione di presenza di eventi di traslocazione con partner di fusione non noti.

I kits per la costruzione delle librerie sia DNA che RNA devono essere certificati per uso diagnostico in vitro.

- deve poter analizzare DNA o RNA estratto da campioni inclusi in paraffina e fissati in formalina FNT 4% in un singolo esperimento (*In una singola corsa di sequenza deve essere fattibile l'analisi di cambiamenti a carico di singoli nucleotidi, inversioni, inserzioni, delezioni e multipli eventi di fusione*)

Il sistema proposto deve comprendere tutti i reattivi e materiale di consumo per il flusso di lavoro completo dalla preparazione delle librerie, alla ligasi dei barcode identificativi dei pazienti, alla purificazione delle stesse e alla loro quantificazione con fluorimetro. I reattivi necessari per l'amplificazione clonale, la successiva purificazione e la fase di sequenza sulla strumentazione Ion Torrent PGM comprensivo dei vari tipi di chips.

Caratteristiche specifiche:

- il pannello per DNA deve poter essere utilizzato a partire da 10 ng di DNA genomico isolato da campioni FFPE
- il pannello dei trascritti di fusione per tumori solidi deve essere utilizzabile a partire da 10

ng di RNA totale ed essere compatibile con l'RNA isolato da campioni FFPE. Non deve essere necessaria la selezione del polyA o la riduzione dell'RNA ribosomiale.

- il sistema deve fornire un metodo semplificato per normalizzare la concentrazione della libreria senza necessità di quantificazioni complesse.

Si comunica che entro il **17/09/2018** dovranno pervenire, a mezzo pec all'indirizzo sanluigi.fornitori@legalmail.it, le richieste di partecipazione alla gara da parte delle aziende interessate.

Orbassano, 04/09/2018

IL R.U.P.
Dott. Michele GOLZIO
(Firmato in originale)

